

Table S5. DNA methylation β-values in different patient groups in the discovery cohort (Illumina Methylation array 27).
These groups were compared by t-test

gene name	probe name	mean values					t-test p-values			
		Normal	HPV+ HNSCC	HPV- HNSCC	HNSCC samples	Normal vs HNSCC	Normal vs HPV- HNSCC	Normal vs HPV+ HNSCC	HPV+ vs HNSCC	
ADFP/PLIN2	cg13060646	0.023728	0.125001	0.181365	0.164712	0.000262	0.001336	0.098238	0.439916	
CCND2	cg02765328	0.038041	0.081599	0.053888	0.062075	0.063523	0.10312	0.259029	0.477457	
CHFR	cg23653008	0.036703	0.035878	0.132738	0.10412	0.003886	0.003216	0.556439	0.002995	
CLGN	cg21246783	0.05153	0.095938	0.119633	0.112632	0.011681	0.025483	0.266268	0.623467	
ENPP5	cg04006554	0.021809	0.028622	0.084132	0.067731	0.010324	0.013286	0.231449	0.028826	
FUZ/FLJ22688	cg10971790	0.028476	0.028926	0.142187	0.108723	0.002146	0.001794	0.666406	0.001861	
GLOXD1/HPDL	cg26781150	0.046978	0.044124	0.132597	0.106458	0.011834	0.009428	0.464485	0.007331	
HAAO	cg01561916	0.040795	0.109611	0.121982	0.118327	0.00224	0.005891	0.185261	0.827525	
HHEX	cg11378840	0.022472	0.023113	0.124658	0.094656	0.007979	0.007441	0.557335	0.007786	
ICA1	cg05434957	0.038339	0.040001	0.110369	0.089578	0.016862	0.016628	0.733295	0.019617	
IDUA	cg04912050	0.031384	0.03681	0.102325	0.082969	0.002303	0.00265	0.306356	0.005816	
ITPKB	cg01259619	0.025203	0.025307	0.068049	0.055421	0.012544	0.011712	0.939866	0.01195	
MEF2C	cg08223748	0.037108	0.108545	0.048646	0.066344	0.02975	0.182593	0.078907	0.138837	
PIP5K1B	cg21413251	0.03271	0.03265	0.087472	0.071274	0.005419	0.004724	0.971547	0.004721	
RBP5	cg15569340	0.055648	0.053663	0.123677	0.102991	0.020827	0.018162	0.469516	0.015486	
RECK	cg12717594	0.031696	0.164234	0.164364	0.164326	0.000182	0.002164	0.041781	0.998542	
VILL	cg26113512	0.034087	0.022532	0.101018	0.077829	0.063519	0.033231	0.278204	0.009787	
ZNF14	cg13714039	0.02519	0.14928	0.199162	0.184424	1.61E-05	0.000137	0.055819	0.48829	
ZNF141	cg13108181	0.046357	0.046596	0.115592	0.095207	0.032337	0.031699	0.89725	0.032334	
ZNF160	cg03712038	0.026017	0.077667	0.113692	0.103048	0.003597	0.007178	0.270825	0.511796	
ZNF211	cg05908775	0.058415	0.133493	0.09941	0.10948	0.00887	0.042609	0.110102	0.483606	
ZNF420	cg03391040	0.038961	0.083816	0.19823	0.164426	0.000249	0.000447	0.25885	0.045561	
ZNF585B	cg03751813	0.043149	0.134508	0.120277	0.124481	0.000995	0.004183	0.105041	0.808074	
ZNF71	cg15705469	0.05286	0.128403	0.142718	0.138489	0.001748	0.007409	0.124985	0.798173	

significant p-values are bolded