|  |  |
| --- | --- |
| **Promoter** | **Sequence** |
| PA | GCCATGATTGATGAAAAAAATTCTGAAAATTATCTTTATGATATAGATATCGTAGAAGAAAACAAAGAAGTAGTTCAAGCGTATAACCAGGATAGAATGAAAGATAAGTCAAATGAAAATGAACAATTTGAAGGAATTAGTCATGATGTTGATTTCTAAGAAGTGTCTAGTTATTTTTTCTTGGGTTATTTACAGGAATAGATATGTTATTGC**TTGCAT**CAAAATAAACTACATGGG**TATAAT**AGCAATGAAATGCA |
| PC | GTACATGCGATTAGATACCATTAATTTTGAGAAATATTTGAAAATTTCCTTCTATATATCAATATTTATTTT**TTTTCT**GGGAGTGTTAGTAGGAAT**TATAAT**AGGTCCTCATATAAATAAATTGGACTATTTTGGTCAGGAAGTTTCATTTTATAGTGTTAGTATTAATAATTTAAAGGTTTCTTTTTATTTCCTCACTATAGGAATGGTAACAGGGGGGATTTATGCATTTTTATTTATGGGTATAAATGGTTATATAATTGGTAAGTTGATTCAATATTTATACATTAATAATGAACTAAATATTTTGTATAAAGGTCTTCTTCCACATTTTTTTATAGAACTTTTAG |
| P2(1) | TGCTGAGTTAAAGGTATACTCATTAAAGGAAGAGTGAACACTATTTTAAATTTATACAACCAAAGTAAAATTTTCGTGAATTATCTTTATAATAATATGTCGGTTACTTAAAATTTTTGAAATTCACAATAAACATATAATTAACAGTGCAATAATTTATTTGTCTACAAGTCAA**TTGGGA**TAGGCAACTATATTCGCA**TAAAAT**ATCTCTCACAAAAAGTGTCTCATCTATTGAATCTGATCCATATAAGTTCTTAAGAAAGG |
| P2(2) | TGCTGAGTTAAAGGTATACTCATTAAAGGAAGAGTGAACACTATTTTAAATTTATACAACCAAAGTAAAATTTTCGTGAATTATCTTTATAATAATATGTCGGTTACTTAAAATTTTTGAAATTCACAATAAACATATAATTAACAGTGCAATAATTTATTTGTCTACAAGTCAATTGGGATAGGCAACTATATTCGCATAAAATATCTCTCACAAAAAGTGTCTCATCTATTGAATCTGATCCATATAAGTTCTTAAGAAAGGAAGATAAGTTTGCATAAGTTTACTTTGAAAAAGTGCATCGGTATTAC**TTCACT**ATTTTTTTTGTTTTCAAATAT**TTTAAT**TGCTGAAGAGTTTATTTTTGTAGAAAAAAACTTGAGTTTTTTTCCTAAATTAG |
| PD1 | GAATATGACGGCACATTGTATACAGAAAAAGTAACTAAAGAAAAAGTAGCTTTTATACCCTATAAAACTAAGCTATATCCTTATCTTGATGTTTTTGATCATATAAAGCTAATAGCAGAATTATGGGGAATTAAAACAGACTATTTAGAGTATAAAAGAAAAGTATTAGAATATTGTAACCGTCTAAACTTGGACTACTATAATAAGAGAGTAGAGTCTTACTCTACAGGTATGGAGTATAAACTATACATTTCTTTAATGTTGGCAAGAGATGTTTCTCTTGTATTATTAGATGAACCTTTTACCATGTTAGATAAAAAAAGTCGCTATTTAGCTATGGACTTAATCAAAGAGAAAAAAATAATAACAATATTTTCTTCACATCAGAAAGATA**TTGTAG**AATATTTGTCAAATGA**TATAAT**TAATCTTGACAAACTGAA |
| P3(1) | AAAATAAGAAGCTGTACAATAGAATTACACTACTTTTTGGTAATTTTTA**TAGACT**AATCAGCAAAGGGAGTATGTA**AATAAT**TTTATTTATGTAACAATATCTATTAGAGGAAACCATATGAATTATGAAATCTTAGGAAGCTTAGTTAAAATTTATTTTTTAGATAGAATTCTTTAATTATGACAAGAAAG |
| P3(2) | GAATTGATTACATTATTATTATAGTCTCACTATTAGCAACAATAGTCGCAATATTTTTAATAGGGATAGATTCTATGTTAGGAAAGATTTTTTTAGCTATTTCTCTCGG**TTTTTT**TTCTTCCCCATTCT**TAAAAT**GGATAAATAAATTAATAAATAAAAATTAAAAAAATAAGAAGCTGTACAATAGAATTACACTACTTTTTGGTAATTTTTATAGACTAATCAGCAAAGGGAGTATGTAAATAATTTTATTTATGTAACAATATCTATTAGAGGAAACCATATGAATTATGAAATCTTAGGAAGCTTAGTTAAAATTTATTTTTTAGATAGAATTCTTTAATTATGACAAGAAAG |

Table S1. Sequence of promoter regions studied in this work. The predicted -10 and -35 sequences are underlined and depicted in bold.