

Table S7. Results of bisulfite sequencing in the *SPON2* promoter region.

G9-013	Tumor	Yes	12	EA	0.83	0.83	0.50	0.75	0.75	0.83	0.75	0.75	0.75	0.92	0.75	0.80	0.92	0.92	0.92	0.92	0.92	1.00	0.75	0.83	0.92	0.92	0.83	0.92	0.58	0.50
G9-013	Normal	Yes	10	EA	0.30	0.00	0.30	0.30	0.20	0.20	0.40	0.33	0.40	0.30	0.30	0.40	0.40	0.50	0.50	0.56	0.10	0.50	0.50	0.40	0.50	0.50	0.50	0.60	0.50	
G9-015	Tumor	Yes	10	EA	0.40	0.60	0.00	0.20	0.40	0.40	0.70	0.70	0.50	0.40	0.60	0.40	0.20	0.00	0.30	0.20	0.10	0.22	0.20	0.10	0.10	0.22	0.10	0.00	0.00	0.00
G9-015	Normal	Yes	11	EA	0.27	0.09	0.18	0.36	0.46	0.64	0.46	0.55	0.55	0.36	0.64	0.46	0.55	0.55	0.55	0.91	0.80	0.73	0.91	0.64	0.64	0.82	0.55	0.73	0.55	0.55
GN-001	Tumor	Yes	12	EA	0.58	0.58	0.42	0.50	0.50	0.58	0.58	0.58	0.58	0.58	0.58	0.50	0.50	0.58	0.58	0.58	0.58	0.64	0.50	0.50	0.58	0.58	0.58	0.58	0.50	0.50
GN-001	Normal	Yes	11	EA	0.09	0.00	0.00	0.64	0.64	0.64	1.00	0.73	0.09	0.64	0.73	0.64	1.00	1.00	1.00	0.73	1.00	1.00	1.00	1.00	1.00	0.73	0.36	0.36	0.00	1.00

*EA: European American, AA: African American.