FH-MPN127

Sequence of MPN127 region in FH *M. pneumoniae* strain maintained in the laboratory

Length: 861 nts

Coding region: 816 nts (46 to 861)

Protein: 271 aa

>FH-MPN127

tgtctttactaacttaaagcaatttagttagtgtaaagactcataATGTTTAAATTAAAAATTAACAACTTCCAATTAGGTTTCAAACTCGTTCAGTGACCAGTGACGAACCACCTTCTTAAACATTTTTACGTTTTTCCAATCAATAATAAAGGAGGTCTTGCCATTAAACGCATAATTTCACTTGCTTTGTTTAAGAAAAGACTTAACAAAGATAAGATTAATAATTGTCATGTTTGGGAAGAAGAGTTACCTGATGGTAGCTACGACATGGGATTTAATGGCAATTTCAACCATATGGAAAAACGAAAAAGTGGTTATGTTACCCAAAAGCAGTTTAGCGAGTTCAAAGATGCCAACAATCAGCGTCTCATAAAGATTGAAACTACTTTGGCTATCCAAGGCGAACAAATCAACAAATTGACTCAAACTGTTGAAAAGCAAGGCGAACAAATCAATCAATTAGTTCAAGTTGTGCTTCTTCAGGGCGAGCAAATTAGAGAACTTCAAGTGGAGCAAAAAGCACAAAGACAAGAGTTTAATGCCCGCATGGATCGTTTGGAAAATCTTTTGGTGGAAAGTATAGAATCTACCAATAATCGCTTCGACTCTATGGAAAGACGTTTAGACTCTATGGATAGTCGTCTTGATTCTATGGAAAATCGCTTGGTTTCAATGGAAAGCCGTCTTGATTCTATGGAAAATCGCTTAGATTCAATGGAAGGTCGTCTTGATTCTATGGAAAATCGCTTAGATTCAATGGAAGGTTGTCTTGATTTTGTTGAAGGACGCTTAGACTCTATGGAAACTCGTTTAGACTCTATGGAAACTCGCCTGGACAAAGTCGATCCGCCCAAATAG

MFKLKINNFQLGFKLVQWPVTNHLLKHFYVFPINNKGGLAIKRIISLALFKKRLNKDKINNCHVWEEELPDGSYDMGFNGNFNHMEKRKSGYVTQKQFSEFKDANNQRLIKIETTLAIQGEQINKLTQTVEKQGEQINQLVQVVLLQGEQIRELQVEQKAQRQEFNARMDRLENLLVESIESTNNRFDSMERRLDSMDSRLDSMENRLVSMESRLDSMENRLDSMEGRLDSMENRLDSMEGCLDFVEGRLDSMETRLDSMETRLDKVDPPK